

El nuevo ensayo HCV Genotype *Plus* RUO permite subtipar el genotipo 1 del VHC con una elevada fiabilidad

Saludes V^{1,2}, Antuori A¹, Viciano I³, Jiménez M¹, Hernández J¹,
Bascuñana E¹, Matas L^{1,2}, Martró E^{1,2,*}

¹ Servicio de Microbiología, Hospital Universitari Germans Trias i Pujol, Fundació Institut d'Investigació en Ciències de la Salut Germans Trias i Pujol (IGTP), Badalona.

² CIBER de Epidemiología y Salud Pública (CIBERESP), Madrid.

³ Servicio de Microbiología, Hospital Virgen de la Victoria, Málaga.

Introducción



- Elevada variabilidad genética del VHC
⇒ ¿subtipado del G1 correcto por los ensayos comerciales?
- Ocasionalmente, el ensayo RealTime HCV Genotype II (GT II, Abbott Molecular) no asigna el subtipo 1a o 1b (**región NS5B**)
⇒ Segundo ensayo para guiar la elección del tto.

Objetivo:

- Evaluar el nuevo ensayo HCV Genotype Plus RUO (GT Plus, Abbott Molecular) para el subtipado del G1 basado en la **región core**, vs. el método de referencia, en una serie de muestras genotipadas por el ensayo GT II.

Métodos

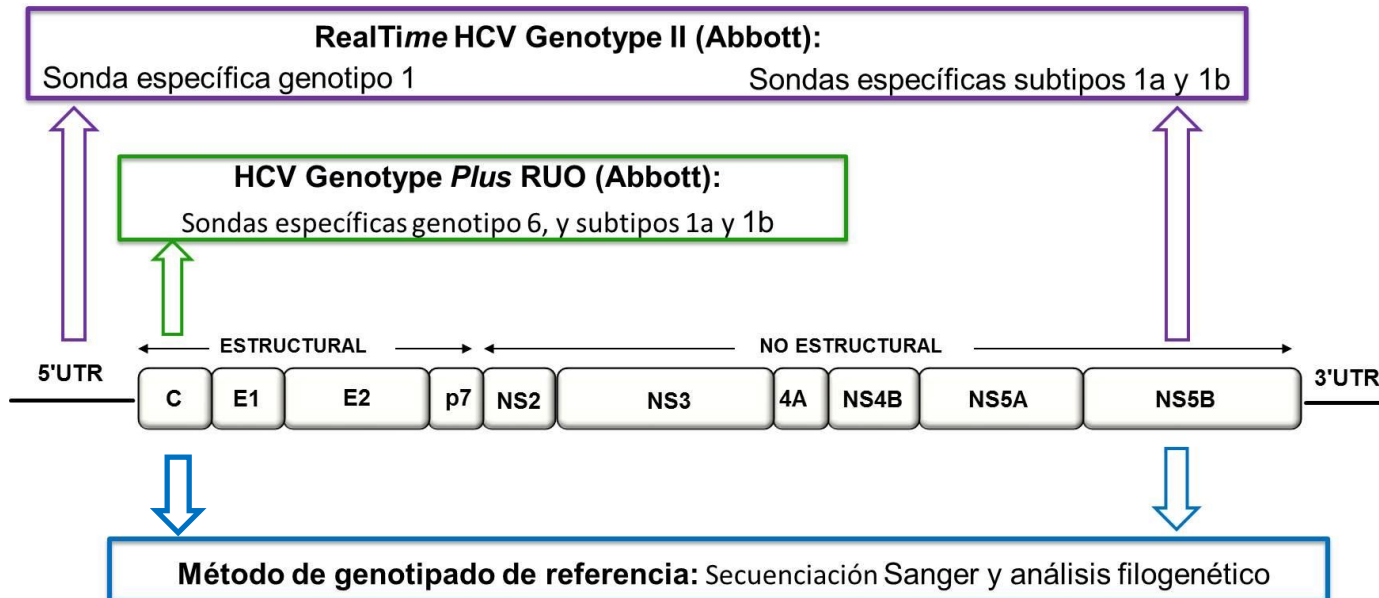
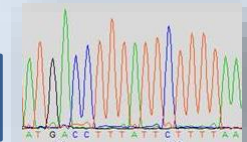
Muestras genotipadas **ensayo GT II** (N=138)

- G1 sin subtipar ($n=110$)
- 1a+1b ($n=6$)
- 1a ($n=10$)
- 1b ($n=12$)

Ensayo GT Plus

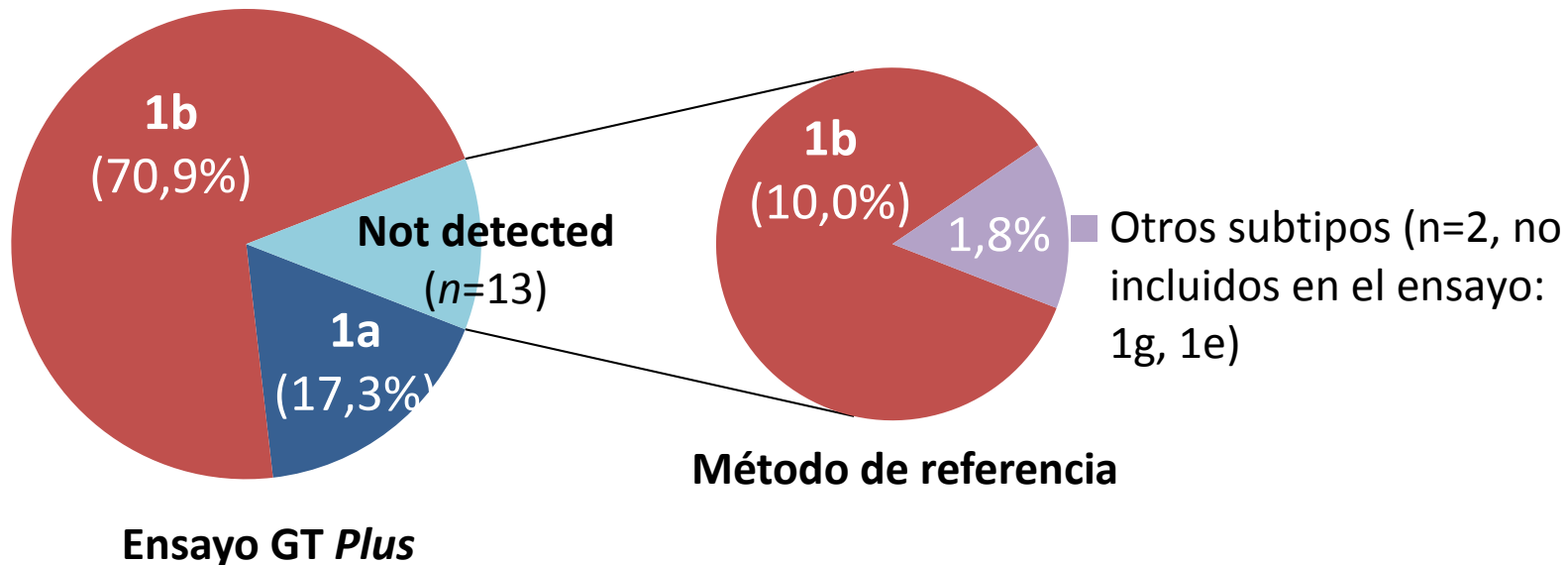
Resultados discordantes

Método de referencia ($n=121$)



Resultados

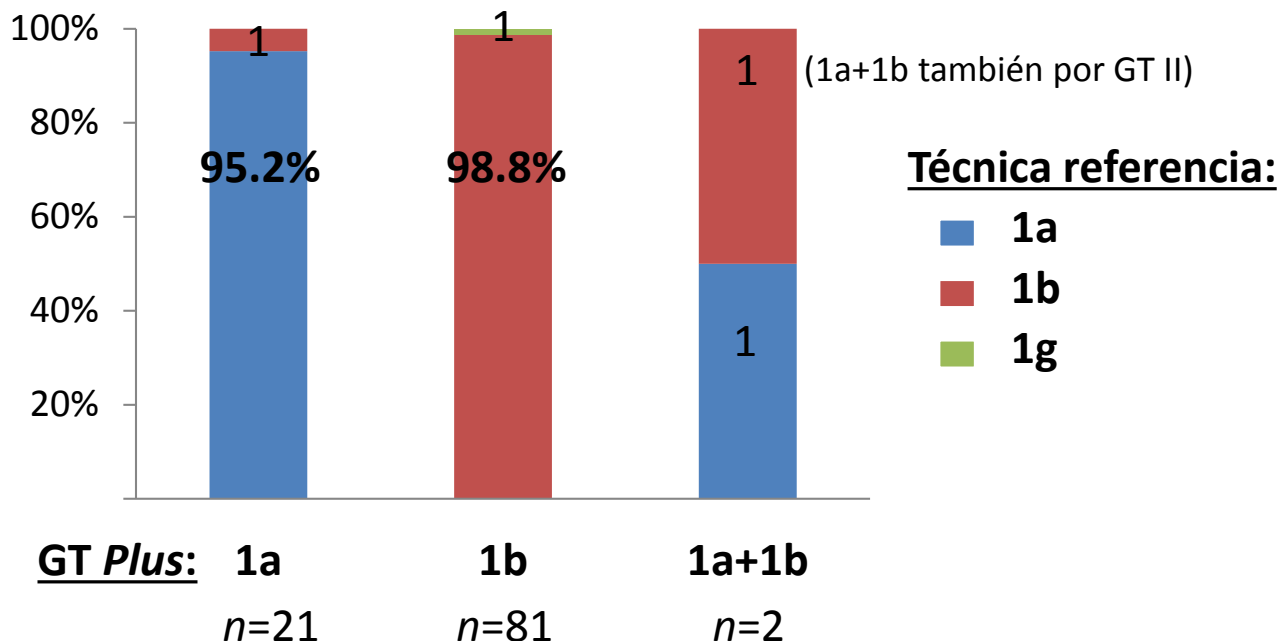
Ensayo GT *Plus* en G1 no subtipado por ensayo GT II ($n=110$)



⇒ El ensayo GT *Plus* subtipó 97/110 (88,2%) de las muestras G1, sólo 13/110 (11,8%) requirieron subtipado por el método de referencia.

Resultados

Concordancia entre el ensayo *GT Plus* y la técnica de referencia

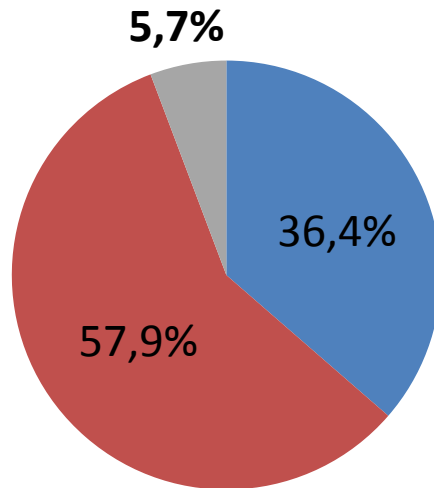


- ❖ En otras 17 muestras (1a, $n=9$; 1b, $n=8$) se obtuvieron resultados concordantes entre los ensayos de Abbott.

⇒ Entre las muestras identificadas como **1a o 1b** por el ensayo *GT Plus*, **117/119 (98.3%)** concordaron con el método de referencia o el ensayo *GT II*.

Resultados

Genotipo 1: 65% de 2030 casos (periodo 2009-2016)



Ensayo GT II:

- 1a
- 1b
- 1 no subtipado ($n=76$)



$n=53$ casos analizados por el ensayo **GT Plus**:

$n=42$ casos subtipados (79,3%)



**Con el uso de los dos ensayos (GT II y GT Plus)
se podrían subtipar el 98,9% de los genotipos 1**

Conclusiones

- El ensayo GT *Plus* subtipó el 88.2% de las muestras no subtipadas con el GT II, y mostró muy buena concordancia (98.3%) con el método de referencia para los subtipos 1a y 1b.
- El uso de este ensayo permite disminuir considerablemente el número de muestras que deben subtiparse por el método de referencia.

Agradecimientos

- Estudio financiado por Abbott GmbH & Co. KG (Alemania)
- EM es Investigadora Miguel Servet en el Sistema Nacional de Salud (CPII15/00028, Instituto de Salud Carlos III /Fondo Social Europeo).

